



ESCUELA DE FORMACIÓN

PROGRAMA DE FORMACIÓN DEL PROFESORADO

MODELO PROPUESTA DE ACCIÓN FORMATIVA

TÍTULO	ANÁLISIS DE DATOS DE METATAXONOMÍA CON R: DE RAW READS A HIGH-QUALITY PLOTS
MÓDULO AL QUE PERTENECE	Formación en investigación - TICs como apoyo a la Investigación
DURACIÓN EN HORAS	6 horas
MODALIDAD	Presencial
FECHAS Y HORARIO	1 y 2 de octubre Horario: de 11:00 a 14:00 horas
PLAZAS A OFERTAR	20
PERFIL DE LOS DESTINATARIOS	Investigadores que realicen o vayan a realizar análisis de datos de metataxonomía (amplicones de 16S rRNA) Se recomienda conocimientos de R pero no es obligatorio.
OBJETIVOS Y COMPETENCIAS A CONSEGUIR	Realizar y comprender el análisis completo, desde filtrado de calidad de lecturas hasta ploteo de resultados, de un estudio de secuenciación por amplicones de 16S rRNA (metataxonomía de bacterias).
CONTENIDOS	<ul style="list-style-type: none">▪ R-studio, conceptos básicos y entorno de trabajo▪ Instalación de librerías de R▪ Filtrado de calidad de lecturas de 16S rRNA mediante la librería dada2 de R▪ Asignación taxonómica de ASVs▪ Análisis de alfa y beta-diversidad▪ Análisis de composición taxonómica
METODOLOGÍA	Clases teórico-prácticas empleando un ordenador con el programa R instalando y donde se irán corriendo paso a paso todos los análisis.
PROFESORADO DE LA ULE	<i>Coral Barcenilla Canduela Elena Fernández Trapote José Francisco Cobo Díaz</i>